

Uma Banca de DEFESA de DOUTORADO foi cadastrada conforme as informações abaixo:

**DISCENTE:** RODRIGO GREDILHA DUARTE

**DATA:** 24/06/2020

**HORA:** 14:00

**LOCAL:** A defesa será realizada utilizando a plataforma Google Meet

**TÍTULO:**

Caracterização molecular de novas linhagens de *Trypanosoma* em aves no Parque Nacional do Itatiaia (RJ/MG) e na Zona da Mata Mineira (MG), Brasil

### **RESUMO:**

A Mata Atlântica é considerada um dos 34 *hotspots* de biodiversidade do planeta devido à alta riqueza de espécies e endemismo, entretanto as ações antrópicas que ocorrem nesse bioma vêm contribuindo para o declínio faunístico e particularmente, infecções por hemoparasitas podem ser mais uma ameaça para as aves desse ecossistema. Desta forma, compreender a diversidade, os padrões de distribuição e os aspectos evolutivos desses parasitos nos hospedeiros aviários é importante para projetar ações em programas de conservação. Neste estudo, amostras de sangue de 188 aves silvestres foram submetidas a análise genética com PCR convencional através da sequência 18S rDNA para identificação de *Trypanosoma* spp, resultando no total de 15 amostras positivas; sete espécimes provenientes do Parque Nacional de Itatiaia (RJ/MG), sendo duas em *Turdus. flavipes* e cinco em *T. albicollis*, assim como nas áreas de captura pertencentes a Zona da Mata Mineira para seis indivíduos da espécie *Tachyphonus coronatus*, uma espécie de *Thamnophilus caerulescens* e uma de *Synallaxis spixi*. Foram submetidos ao sequenciamento 5 clones de cada reação de PCR, totalizando 15 sequências de cada espécime de ave avaliada. Todas as 15 sequências obtidas de *T. albicollis* e de *T. flavipes* foram idênticas entre si. Nos seis espécimes de *T. coronatus* foram observadas 5 sequências distintas. Todas as sequências de *T. caerulescens* e *S. spixi* foram idênticas entre si. Utilizando a estratégia de clonagem de reações de PCR diferentes, foi possível observar em um dos espécimes de *T. coronatus* duas sequências de *Trypanosoma* distintas, o que evidencia uma provável co-infecção. A reconstrução filogenética mostrou o agrupamento das sete novas linhagens com parasitos do gênero *Trypanosoma*. As novas linhagens agruparam-se em dois clados. As linhagens JB03, JB04, JB05, ITA01 e ITA02 agruparam-se junto à espécie *Trypanosoma bennetti*. As linhagens JB01 e JB02 agruparam-se externamente aos clados das espécies *T. avium*, *T. cullicavium* e *T. corvi*. As novas linhagens de trypanosoma encontradas neste estudo agruparam-se com linhagens com ocorrência registrada na Europa, Ásia e África. De acordo com os dados de distância evolutiva obtidos no presente estudo podemos observar que uma mesma linhagem genética de *Trypanosoma* sp. é capaz de infectar diferentes espécies de aves, assim como uma mesma espécie de ave pode ser infectada por mais de uma linhagem de *Trypanosoma* sp. O presente estudo, de modo inédito, é o primeiro a acessar a diversidade molecular de parasitos do gênero *Trypanosoma* em aves no Brasil. Até então, todos os estudos relacionados a tripanosomas aviários basearam-se principalmente em relatos de ocorrência em esfregaços sanguíneos de aves

em estudos voltados a hemoparasitos em geral. Para o Brasil este estudo pioneiro fornece métodos possíveis para investigar a diversidade de tripanosomas aviários e mostra o grande potencial que existe para ser explorado neste grupo de parasitos. Pelos resultados deste estudo acreditamos que o Brasil, pelas grandes dimensões territoriais e a grande biodiversidade de aves hospedeiras e insetos vetores, possa ser um dos mais ricos em espécies de tripanosomas aviários no mundo.

**PALAVRAS-CHAVE:**

*Trypanosoma* spp.; hemoparasitas; aves neotropicais, Mata Atlântica.

**PÁGINAS:** 80

**GRANDE ÁREA:** Ciências Agrárias

**ÁREA:** Medicina Veterinária

**SUBÁREA:** Medicina Veterinária Preventiva

**ESPECIALIDADE:** Doenças Parasitárias de Animais

**MEMBROS DA BANCA:**

Presidente - 3701492 - HUARRISSON AZEVEDO SANTOS

Interno - 1971595 - BRUNO PEREIRA BERTO

Externa ao Programa - 3103478 - MARISTELA PECKLE PEIXOTO

Externa ao Programa - 3103528 - CLAUDIA BEZERRA DA SILVA

Externo à Instituição - DANIEL DA SILVA GUEDES JUNIOR - FIOCRUZ

Externo à Instituição - ALYNNE DA SILVA BARBOSA - UFF

Externo à Instituição - ROBERTO JUNIO PEDROSO DIAS - UFJF